

# Studie: Ptačí chřipka, která se nyní šíří po celých USA, je výtvozem amerických laboratoří

 [necenzurovanapravda.cz/2024/06/studie-ptaci-chripka-ktera-se-nyni-siri-po-celych-usa-je-vytvozem-americkych-laboratori](https://necenzurovanapravda.cz/2024/06/studie-ptaci-chripka-ktera-se-nyni-siri-po-celych-usa-je-vytvozem-americkych-laboratori)

7 června, 2024

V USA se stále více spekuluje o tom, zda má být aktuálně šířená ptačí chřipka dalším prostředkem pro „zajištění“ amerických prezidentských voleb jako tomu bylo už v roce 2020.

Nějaká pandemie s lockdowny a korespondenčními hlasy by se jistě hodila. Průzkumy nevypadají pro demokraty ovládané Obamovým Deep State nijak dobře, tak proč nevyzkoušet již osvědčené?

I když již nyní propaganda tvrdí, že jde o zmutované kmény, které přešly z ptáků na krávy, kočky a také několik lidí, zdá se, že jde o stejnou lež jako v případě Covidu od netopýra.

Nová studie naznačuje, že propuknutí virové ptačí chřipky HPAI H5N1 bylo pravděpodobně způsobeno úniky z laboratoří USDA Poultry Lab v Aténách ve státě Georgia (viz titulní obrázek) a Erasmus Medical Center, které obě prováděly výzkum zisku z funkce zaměřený na ptačí viry.

Studie McCullough Foundation lokalizuje proximální původ ptačí chřipky, která je v současné době hlášena na izolovaných farmách po celé Severní Americe, a zjistila, že H5N1 klad 2.3.4.4b pravděpodobně pochází z vládní laboratoře v Aténách, Georgia.

Podle studie McCullough Fund genetické důkazy a historický kontext naznačují, že laboratorní aktivity, včetně notoricky nebezpečného výzkumu zisku z funkce, pravděpodobně přispěly ke vzniku H5N1 2.3.4.4b.

preprints.org > biology and life sciences > virology > doi: 10.20944/preprints202406.0060.v1

Preprint Hypothesis Version 1 Preserved in Portico This version is not peer-reviewed

## Proximal Origin of Epidemic Highly Pathogenic Avian Influenza H5N1 Clade 2.3.4.4b and Spread by Migratory Waterfowl

 Nicolas Hulscher ,  John Leake,  Peter McCullough 

Version 1 : Received: 3 June 2024 / Approved: 3 June 2024 / Online: 3 June 2024 (09:54:06 CEST)

**How to cite:** Hulscher, N.; Leake, J.; McCullough, P. Proximal Origin of Epidemic Highly Pathogenic Avian Influenza H5N1 Clade 2.3.4.4b and Spread by Migratory Waterfowl. *Preprints* **2024**, 2024060060. <https://doi.org/10.20944/preprints202406.0060.v1> 

### Abstract

We investigate the possible laboratory origins of the highly pathogenic avian influenza (HPAI) H5N1 clade 2.3.4.4b genotype B3.13, currently affecting various animal species and causing sporadic human infections. The first detection of HPAI H5N1 clade 2.3.4.4b in the Netherlands in 2020 raises concerns about earlier gain-of-function research. The proximal origins of HPAI H5N1 Clade 2.3.4.4b may be the USDA Southeast Poultry Research Laboratory (SEPR) in Athens, Georgia and the Erasmus Medical Center in Rotterdam, the Netherlands. Genetic analysis indicates that genotype B3.13 emerged in 2024 and exhibits genetic links to genotype B1.2, which was identified to have originated in Georgia in January 2022 after the start of serial passage research with H5Nx clade 2.3.4.4 in mallard ducks at the USDA Southeast Poultry Research Laboratory (SEPR) in Athens, Georgia in April 2021. Genotype B1.2 was found in a bottlenose dolphin (*Tursiops truncatus*) in March 2022 in Florida, indicating sudden new adaptations to different animal species. The NP gene of H5N1 clade 2.3.4.4b (genotype B3.13), which is causing outbreaks in cattle, was reported to have likely originated from an avian influenza A virus derived from mallard ducks. Significant mutations found in recent human cases, including PB2 E627K and PB2 M631L, also suggest links to serial passage experiments. However, further investigation is urgently needed to confirm these findings and to identify all H5N1 laboratory leaks that may have occurred with a focus on mallard ducks and other migratory waterfowl, which have the potential to infect a large number of poultry and livestock facilities around the world. A moratorium on gain-of-function research including serial passage of H5N1 is indicated to prevent a man-made influenza pandemic affecting animals and humans.

### Keywords

H5N1; Clade 2.3.4.4b; laboratory leak; gain-of-function; bird flu; USDA; pandemic

### Subject

Biology and Life Sciences, Virology

Bidenova administrativa nyní prosazuje masové očkování proti ptačí chřipce, zatímco mainstreamová média a ověřovatelé faktů jsou zaneprázdněni potlačováním informací obsažených ve studii McCulloughovy nadace, což vše činí vysoce podezřelým.

Mezi další shody okolností patří skutečnost, že Institut Billa a Melindy Gatesových vyrobil vakcíny proti H5N1 v květnu a již se připravoval na globální distribuci, když se ve zprávách objevil první případ nákazy člověka.

Jsme v prvních dnech Plandemie 2.0? Gain-of-function byla stejná technologie, která byla použita ve Wuhanském virologickém institutu financovaném americkou NIH.

McCulloughova studie končí vydáním naléhavé výzvy k moratoriu na výzkum zisku z funkce, aby se zabránilo pandemii chřipky způsobené člověkem, která postihuje zvířata a lidi.

„Výzkum zisku z funkce umožnil skok do širokého spektra vodního ptactva a savců,“ řekl Dr. Peter McCullough. „Měli bychom zavřít funkční biolaboratoře uvnitř našich hranic jako opatření národní bezpečnosti.“

Po střeďečnīm prvnīm úmrtí v Mexiku je třeba klást otázky ohledně načasování nejnovější plandemie WHO.

Izolované farmy po celé Americe končí se stejnými nevyhlášenými kmeny ptačí chřipky a jediným společným jmenovatelem jsou státní agenti, kteří zvířata testují.

Jsou tito agenti testující nebo infikující?

Nejsou tito ptáci a krávy v podstatě zavřeni ve svých vlastních domovech, jako jsme byli během Covidu?

Nemělo by to „zastavit šíření“?

Je to skoro, jako bychom do roku 2025 potřebovali globální nedostatek potravin, abychom resetovali globální ekonomiku, jak nás posledních dvanáct měsíců varovala globální elita.

Ohodnoťte tento příspěvek!

■ ■ ■ [Celkem: 5 Průměrně: 5]